

Soins de Santé

Circulaire OA no 2025/123 du 6-5-2025

Applicable à partir de 1-04-2025

164 /271 165 /357

Laboratoires: ajouter d'une prestation et attribut

Suite à l'arrêté ministériel du 10 avril 2025 (Moniteur belge du 18/04/2025) modifiant la liste jointe à l'arrêté royal du 1^{er} février 2018 fixant les procédures, délais et conditions en matière d'intervention de l'assurance obligatoire soins de santé et indemnités dans le coût des spécialités pharmaceutiques, la prestation suivante est ajoutée à l'article 33ter à partir du 1^{er} avril 2025 :

- La prestation suivante est ajoutée à l'article 33ter avec un nouvel attribut :
 - 14A20 : Art 33ter : 595291 – 595302 : Analyse du réaménagement du gène ALK dans un stade précoce de CBNPC non squameux

Le relevé des prestations remboursables par type de labo a été modifié suite à ces modifications (voir annexe).

Mickael Daubie

Directeur général

Pièces jointes :

Prestations labos (codes attributs + noms)

1) Biologie clinique (code de qualification 998):

- Prestations de l'art. 3 § 1 A, II, § 1 B et § 1 C I, l'art. 18 § 2, B, e et l'art. 24 de la nomenclature :

1	Chimie
2	Chimie: Hormonologie
3	Chimie: Toxicologie
4	Chimie: Monitoring thérapeutique
5	Microbiologie et microscopie
5*	Examens microscopiques exclusivement
6	Sérologie infectieuse
7	Hématologie
8	Coagulation – Hémostase
9	Immuno-hématologie et sérologie non infectieuse
10	Médecine nucléaire in vitro

- Prestations de l'art. 33bis de la nomenclature:

11A1	Biologie moléculaire application de l'article 33bis : 588431-588442
11A2	Biologie moléculaire application de l'article 33bis : 588453-588464
11A3	Biologie moléculaire application de l'article 33bis : 588475-588486
11A4	Biologie moléculaire application de l'article 33bis : 588490-588501
11A5	Biologie moléculaire application de l'article 33bis : 588512-588523
11A6	Biologie moléculaire application de l'article 33bis : 588534-588545
11A7	Biologie moléculaire application de l'article 33bis : 589713-589724 (supprimé à partir du 01/7/2019 – AR du 17/05/2019)
11A8	Biologie moléculaire application de l'article 33bis : 589691-589702 (supprimé à partir du 01/11/2016 – AR du 11/09/2016)

11A9	Biologie moléculaire application de l'article 33bis : 588556-588560 (supprimé à partir du 01/7/2019 – AR du 17/05/2019)
11A10	Biologie moléculaire application de l'article 33bis : 588571-588582
11A11	Biologie moléculaire application de l'article 33bis : 588593-588604 (supprimé à partir du 01/7/2019 – AR du 17/05/2019)
11A12	Biologie moléculaire application de l'article 33bis : 588770-588781
11A13	Biologie moléculaire application de l'article 33bis : 588792-588803
11A14	Biologie moléculaire application de l'article 33bis : 588851-588862
11A15	Biologie moléculaire application de l'article 33bis : 588814-588825
11A16	Biologie moléculaire application de l'article 33bis : 588836-588840
11A17	Biologie moléculaire application de l'article 33bis : 587834-587845
11A18	Biologie moléculaire application de l'article 33bis : 587856-587860
11A19	Biologie moléculaire application de l'article 33bis : 587871-587882
11A20	Biologie moléculaire application de l'article 33bis : 587893-587904
11A21	Biologie moléculaire application de l'article 33bis : 565611-565622
11A22	Biologie moléculaire application de l'article 33bis : 589831-589842 (supprimé à partir du 01/7/2019 – AR du 17/05/2019)
11A23	Biologie moléculaire application de l'article 33bis: 555354-555365 : typage HLA candidat receveur d'organe
11A24	Biologie moléculaire application de l'article 33bis: 555413-555424 : typage HLA candidat donneur vivant d'organe
11A25	Biologie moléculaire application de l'article 33bis: 555435-555446 : typage HLA donneur décédé d'organe
11A26	Biologie moléculaire application de l'article 33bis: 587915-587926
11A27	Dépistage d'anomalies acquises chromosomiques ou génétiques (à l'exception du réarrangement des gènes des l'immunoglobulines ou des gènes du récepteur des cellules T), au moyen d'une méthode de biologie moléculaire : 535975-535986

11A28	Dépistage d'anomalies acquises chromosomiques ou génétiques (à l'exclusion de réarrangement des gènes des immunoglobulines ou des gènes du récepteur des cellules T), au moyen d'une méthode de biologie moléculaire : 535990-536001
11A29	Dépistage d'une mutation acquise du KIT D816V au moyen d'une méthode de biologie moléculaire en phase d'investigation diagnostique d'une mastocytose systémique : 536012-536023
11B1	Biologie moléculaire application de l'article 33bis : 587016-587020
11B2	Biologie moléculaire application de l'article 33bis : 587031-587042
11B3	Biologie moléculaire application de l'article 33bis : 587053-587064
11B4	Biologie moléculaire application de l'article 33bis : 587775-587786
11B5	Biologie moléculaire application de l'article 33bis : 587790-587801 (supprimé à partir du 01-03-2023)
11B6	Biologie moléculaire application de l'article 33bis : 587812-587823
11B7	Biologie moléculaire application de l'article 33bis : 587974-587985

- Prestations de l'art. 33ter de la nomenclature:

14A1	Art33ter : 594252 - 594263 : amplification du gène HER2 dans l'adénocarcinome de l'estomac ou de la jonction OG
14A2	Art33ter : 594274 - 594285 : mutation RAS dans le CCR
14A3	Art33ter : 594311 – 594322 + 595210 – 595221 : mutation EGFR dans le CBNPC
14A4	Art33ter : 594333 - 594344 : réaménagement du gène ALK dans le CBNPC
14A5	Art33ter : 594355 - 594366 : réaménagement du gène ROS1 dans le CBNPC
14A6	Art33ter : 594370 - 594381 : mutation EGFR T790M dans le CBNPC
14A7	Art33ter : 594392 - 594403 + 594296 – 594300 : mutation BRAF V600 dans le mélanome (ajout de 594296 – 594300 à partir du 01-08-2019)
14A8	Art33ter : 594414 - 594425 : mutation PDGFRA D842V dans le GIST
14A9	Art33ter : 594436 - 594440 : amplification du gène HER2 dans le cancer du sein non métastatique

14A10	Art33ter : 594451 - 594462 : amplification du gène HER2 dans le cancer du sein métastatique
14A12	Art33ter : 594952 – 594963 + 594974 – 594985 + 594996 – 595000 + 595011 - 595022 : Détection d'une fusion du gène NTRK (ou NTRK1, ou NTRK2, ou NTRK3) d'une tumeur solide avancée
14A13	Art33ter : 595070-595081 : mutation BRAF V600 dans le CBNPC primaire avancé (non résécable ou métastatique)
14A14	Art33ter : 595136-595140 : Détection d'une fusion du gène RET en cas de CBNPC non squameux avancé (non résécable ou métastatique)
14A15	Art33ter : 595151-595162 : Détection d'une mutation RET (probablement) pathogène en cas de carcinome médullaire avancé (non résécable ou métastasé) de la thyroïde
14A16	Art33ter : 595173-595184 : Détection de la fusion ou réarrangement du gène FGFR -2 dans le cholangiocarcinome intrahépatique localement avancé ou métastatique
14A17	Art33ter : 595195 – 595206 : Détection de l'antigène leucocytaire humain (HLA) A*02:01 dans le mélanome uvéal non résécable ou métastatique
14A18	Art33ter : 595232 – 595243 : Détection d'une mutation R132 dans le gène IDH1 dans le cholangiocarcinome intrahépatique localement avancé ou métastatique
14A19	Art33ter : 595276 – 595280 : Détection d'une mutation HER2 (ERBB2) activatrice dans le CBNPC non squameux avancé
14A20	Art 33ter : 595291 – 595302 : Analyse du réaménagement du gène ALK dans un stade précoce de CBNPC non squameux
14C1	Art33ter : 594495 - 594506 : gène de fusion BCR/ABL1 dans la LMC
14C2	Art33ter : 594510 - 594521 : mutation KD BCR/ABL1 dans la LMC
14C3	Art33ter : 594532 - 594543 : gène de fusion BCR/ABL1 dans la LLA
14C4	Art33ter : 594554 - 594565 : mutation KD BCR/ABL1 dans la LLA
14C5	Art33ter : 594576 – 594580 : délétion 17p dans la LLC
14C6	Art33ter : 594591 - 594602 : mutation TP53 dans la LLC

14C7	Art33ter : 594613 – 594624 : MYD88 L265P dans la macroglobulinémie de Waldenström (supprimé à partir du 01/08/2019)
14C8	Art33ter : 594635 - 594646 : translocation PML-RARa dans la LAP
14C11	Art33ter : 594694 - 594705 : PDGFRA dans les néoplasmes myéloïdes / lymphatiques avec éosinophilie
14C12	Art33ter : 594716 - 594720 : PDGFRB dans les néoplasmes myéloïdes / lymphatiques avec éosinophilie
14C14	Art33ter : 594834 - 594845 + 595033 – 595044 : mutation FLT3-TKD dans l'AML
14C15	Art33ter : 594856 - 594860 + 595055 – 595066 : mutation FLT3-ITD dans l'AML
14C16	Art33ter : 595254 – 595265 : R132 dans le gène IDH1 dans l' AML
14D1	Art33ter : 594753 – 594764 + 594775 – 594786 + 594790 – 594801 + 594812 – 594823 + 595092-595103 + 595114-595125 : surveillance BCR/ABL1 dans la LMC/LLA
14D2	Art33ter : 594871 – 594882 + 594893 – 594904 + 594915 – 594926 + 594930 – 594941 : surveillance PML-RARa dans la LAP

- Prestations de l’art. 24bis de la nomenclature:

12A	Biologie moléculaire application de l’article 24bis : 556710-556721 (supprimé à partir du 01/03/2023)
12B	Biologie moléculaire application de l’article 24bis : 556732-556743
12C	Biologie moléculaire application de l’article 24bis : 556754-556765
12D	Biologie moléculaire application de l’article 24bis : 556776-556780
12E	Biologie moléculaire application de l’article 24bis : 556791-556802
12F	Biologie moléculaire application de l’article 24bis : 556813-556824
12G	Biologie moléculaire application de l’article 24bis : 556835-556846
12H	Biologie moléculaire application de l’article 24bis : 556850-556861
12I	Biologie moléculaire application de l’article 24bis : 556872-556883

12J	Biologie moléculaire application de l'article 24bis : 556894-556905 + 556695-556706: recherche quantitative du CMV
12K	Biologie moléculaire application de l'article 24bis : 556916-556920 : recherche quantitative de l'EBV
12L	Biologie moléculaire application de l'article 24bis : 556931-556942 : recherche quantitative du BK polymavirus
12M	Biologie moléculaire application de l'article 24bis : 557115-557126 + 557152-557163 + 556953-556964 + 556975-556986 : détection d'agents infectieux respiratoires (générique) par technique d'amplification moléculaire
12N	Biologie moléculaire application de l'article 24bis : 556990-557001 : recherche quantitative de l'adénovirus
12O	Biologie moléculaire application de l'article 24bis : 557034-557045 : dépistage de Bordetella pertussis
12P	Biologie moléculaire application de l'article 24bis : 557071 – 557082 : détection d'agents infectieux (générique) dans le sang par technique d'amplification moléculaire post-greffe de cellules souches allogéniques
12Q	Biologie moléculaire application de l'article 24bis : 557314-557325 : Dépistage au moins du virus SARS-CoV-2 au moyen d'une méthode d'amplification moléculaire
12R	Biologie moléculaire application de l'article 24bis : 553615-553626 + 553630-553641 + 553652-553663 + 553674-553685 : recherche de HPV à haut risque

- Prestations de l'art. 32 de la nomenclature:

Chaque labo de biologie clinique peut attester et facturer les prestations de l'art. 32 avec un agrément spécifique*:

13	HPV 588932 – 588943 / 588954 – 588965 (supprimé à partir du 01/01/2025)
---------------	--

***Mesure transitoire:** jusqu'au 31/05/2013, les labos de biologie clinique peuvent attester et facturer les autres prestations de l'art 32 de la nomenclature sans agrément spécifique.

- Pseudocodes pour le dépistage du Covid19 :

15A	La détection au moins du virus SARS-CoV-2 au moyen d'une technique d'amplification moléculaire : 554934-554945 (supprimé à partir du 01/10/2024)
15B	La détection d'antigènes du virus SARS-CoV-2 : 554956-554960 (supprimé à partir du 01/10/2024)

	partir du 01/10/2024)
15C	Détermination d'anticorps contre le virus SARS-CoV-2 via immunoassay: 554971-554982 (agrément spécifique supprimé à partir du 01/09/2023)

— ~~Pseudocodes pour le dépistage de la variole du singe (supprimé à partir du 01/01/2025)~~

16A	Biologie moléculaire application en dehors de l'article 24bis : recherche qualitative de la variole du singe – 557233 – 557244 : 1er échantillon et 557270-557281 : échantillons suivants
-----	--

- Pseudocodes convention "Next Generation Sequencing" (NGS)

17A1	NGS pour un carcinome colorectal métastatique : 535010-535021
17A2	NGS pour un carcinome pulmonaire non squameux : 535032-535043
17A3	NGS pour un carcinome pulmonaire squameux : 535054-535065
17A4	NGS pour un cancer des tissus mous, suspicion de GIST : 535113-535124
17A5	NGS pour un mélanome avec métastases à distance ou métastasé aux nodules lymphoïdes stade III : 535135-535146
17A6	NGS pour un médulloblastome/autres tumeurs embryonnaires du système nerveux central : 535172-535183
17A7	NGS pour un gliome diffus, un gliome circonscrit ou un épendymome : 535194-535205
17A8	NGS pour carcinome du sein métastatique : 535231-535242
17A9	NGS pour un carcinome thyroïdien non médullaire : 535253-535264
17A10	NGS pour un carcinome thyroïdien médullaire : 535275-535286
17A11	NGS pour un carcinome du pancréas : 535312-535323
17A12	NGS pour un adénocarcinome pancréatique avancé (code sous embargo) : 535334-535345
17A13	NGS pour un carcinome métastatique de la prostate, résistant à la castration : 535356-535360
17A14	NGS pour un diagnostic de tumeurs spécifiques des tissus mous : 535371-535382
17A15	NGS pour un carcinome de l'endomètre : 535415-535426
17A16	NGS pour une prolifération mélanocytaire atypique (MELTUMP, IAMPUS, STUMP,...) : 535430-535441
17A17	NGS pour un mélanome uvéal : 535474-535485

17A18	NGS pour un carcinome de la glande salivaire : 535496-535500
17A19	NGS pour un carcinome rénal défini moléculairement : 535533-535544
17B1	NGS pour une leucémie aiguë myéloblastique au diagnostic : 535570-535581
17B2	NGS pour une néoplasie myélodysplasique avec une augmentation des blastes 2 (SMD-IB2) : 535636-535640
17B3	NGS pour une néoplasie myélodysplasique, à l'exclusion de SMD-IB2 : 535651-535662
17B4	NGS pour une myélofibrose primaire (préfibrotique) : 535673-535684
17B5	NGS pour une néoplasie myélodysplasique/myéloprolifératif : 535695-535706
17B6	NGS pour une leucémie chronique à neutrophiles : 535710-535721
17B7	NGS pour une thrombocyémie essentielle : 535732-535743
17B8	NGS pour une leucémie chronique à éosinophiles : 535754-535765
17B9	NGS pour une mastocytose systémique : 535776-535780
17B10	NGS pour une leucémie lymphoïde chronique : 535791-535802
17B11	NGS pour une leucémie myélomonocytaire juvénile : 535813-535824
17B12	NGS pour une leucémie/lymphome lymphoblastique-T (LLA-T/LBL-T) : 535835-535846
17B13	NGS pour un lymphome du manteau : 535894-535905
17B14	NGS pour une leucémie-T à grands lymphocytes granuleux (T-LGL) : 535916-535920
17B15	NGS pour un lymphome lymphoplasmocytaire/une macroglobulinémie de Waldenström : 535931-535942
17B16	NGS pour un lymphome T-helper folliculaire : 535953-535964
17C1	NGS pour un carcinome pulmonaire avec progression endéans un an : 535076-535080
17D1	NGS pour une leucémie myéloblastique aiguë en cas de rechute endéans un an : 535592-535603
17E1	RNASeq pour un carcinome pulmonaire sans mutation driver ou d'un patient n'ayant jamais/peu fumé : 535091-535102
17E2	RNA-seq pour un gliome diffus, un gliome circonscrit ou un épédyome : 535216-535220
17E3	RNA-seq pour un carcinome thyroïdien non-médullaire sans mutation driver : 535290-535301
17E4	RNA-seq pour un sarcome : 535393-535404
17E5	RNA-seq pour une prolifération mélanocytaire atypique (MELTUMP, IAMPUS, STUMP,) : 535452-535463
17E6	RNA-seq pour un carcinome de la glande salivaire : 535511-535522

17E7	RNA-seq pour un carcinome rénal défini moléculairement : 535555-535566
17F1	RNAseq pour une leucémie myéloblastique aiguë : 535614-535625
17F2	RNAseq pour une leucémie/lymphome lymphoblastique (LLA/LBL) : 535850-535861
17F3	RNAseq pour une néoplasie myéloblastique/lymphoïde avec éosinophilie et fusion de gène de tyrosine kinase : 535872-535883
17G1	HRD pour un carcinome ovarien épithélial de haut grade non mucineux, un carcinome des trompes de Fallope ou un carcinome péritonéal primaire : 535150-535161

2) Anatomopathologie (code de qualification 997):

- Prestations de l'art. 24bis de la nomenclature:

12R	Biologie moléculaire application de l'article 24bis : 553615-553626 + 553630-553641 + 553652-553663 + 553674-553685 : recherche de HPV à haut risque
-----	--

- Prestations de l'art. 32 de la nomenclature:

31	a) Examens histologiques
32	b) Examens cytologiques
13	HPV 588932 – 588943 / 588954 – 588965 (supprimé à partir du 01/01/2025)

- Prestations de l'art. 33 bis de la nomenclature:

11A1	Biologie moléculaire application de l'article 33bis : 588431-588442
11A2	Biologie moléculaire application de l'article 33bis : 588453-588464
11A3	Biologie moléculaire application de l'article 33bis : 588475-588486
11A4	Biologie moléculaire application de l'article 33bis : 588490-588501
11A5	Biologie moléculaire application de l'article 33bis : 588512-588523
11A6	Biologie moléculaire application de l'article 33bis : 588534-588545
11A7	Biologie moléculaire application de l'article 33bis : 589713-589724 (supprimé à partir du 01/7/2019 – AR du 17/05/2019)
11A8	Biologie moléculaire application de l'article 33bis : 589691-589702 (supprimé à partir du 01/11/2016 – AR du 11/09/2016)
11A9	Biologie moléculaire application de l'article 33bis : 588556-588560 (supprimé à partir du 01/7/2019 – AR du 17/05/2019)
11A10	Biologie moléculaire application de l'article 33bis : 588571-588582
11A11	Biologie moléculaire application de l'article 33bis : 588593-588604 (supprimé à partir du 01/7/2019 – AR du 17/05/2019)
11A12	Biologie moléculaire application de l'article 33bis : 588770-588781
11A13	Biologie moléculaire application de l'article 33bis : 588792-588803

11A14	Biologie moléculaire application de l'article 33bis : 588851-588862
11A15	Biologie moléculaire application de l'article 33bis : 588814-588825
11A16	Biologie moléculaire application de l'article 33bis : 588836-588840
11A17	Biologie moléculaire application de l'article 33bis : 587834-587845
11A18	Biologie moléculaire application de l'article 33bis : 587856-587860
11A19	Biologie moléculaire application de l'article 33bis : 587871-587882
11A20	Biologie moléculaire application de l'article 33bis : 587893-587904
11A21	Biologie moléculaire application de l'article 33bis : 565611-565622
11A22	Biologie moléculaire application de l'article 33bis : 589831-589842 (supprimé à partir du 01/7/2019 – AR du 17/05/2019)
11A23	Biologie moléculaire application de l'article 33bis: 555354-555365 : typage HLA candidat receveur d'organe
11A24	Biologie moléculaire application de l'article 33bis: 555413-555424 : typage HLA candidat donneur vivant d'organe
11A25	Biologie moléculaire application de l'article 33bis: 555435-555446 : typage HLA donneur décédé d'organe
11A26	Biologie moléculaire application de l'article 33bis: 587915-587926
11A27	Dépistage d'anomalies acquises chromosomiques ou génétiques (à l'exception du réarrangement des gènes des l'immunoglobulines ou des gènes du récepteur des cellules T), au moyen d'une méthode de biologie moléculaire : 535975-535986
11A28	Dépistage d'anomalies acquises chromosomiques ou génétiques (à l'exclusion de réarrangement des gènes des immunoglobulines ou des gènes du récepteur des cellules T), au moyen d'une méthode de biologie moléculaire : 535990-536001
11A29	Dépistage d'une mutation acquise du KIT D816V au moyen d'une méthode de biologie moléculaire en phase d'investigation diagnostique d'une mastocytose systémique : 536012-536023
11B1	Biologie moléculaire application de l'article 33bis : 587016-587020
11B2	Biologie moléculaire application de l'article 33bis : 587031-587042

11B3	Biologie moléculaire application de l'article 33bis : 587053-587064
11B4	Biologie moléculaire application de l'article 33bis : 587775-587786
11B5	Biologie moléculaire application de l'article 33bis : 587790-587801 (supprimé à partir du 01/03/2023)
11B6	Biologie moléculaire application de l'article 33bis : 587812-587823
11B7	Biologie moléculaire application de l'article 33bis : 587974-587985

- Prestations de l'art. 33ter de la nomenclature:

14A1	Art33ter : 594252 - 594263 : amplification du gène HER2 dans l'adénocarcinome de l'estomac ou de la jonction OG
14A2	Art33ter : 594274 - 594285 : mutation RAS dans le CCR
14A3	Art33ter : 594311 - 594322 + 595210 – 595221: mutation EGFR dans le CBNPC
14A4	Art33ter : 594333 - 594344 : réaménagement du gène ALK dans le CBNPC
14A5	Art33ter : 594355 - 594366 : réaménagement du gène ROS1 dans le CBNPC
14A6	Art33ter : 594370 - 594381 : mutation EGFR T790M dans le CBNPC
14A7	Art33ter : 594392 - 594403 + 594296 – 594300 : mutation BRAF V600 dans le mélanome (ajout de 594296 – 594300 à partir du 01/08/2019)
14A8	Art33ter : 594414 - 594425 : mutation PDGFRA D842V dans le GIST
14A9	Art33ter : 594436 - 594440 : amplification du gène HER2 dans le cancer du sein non métastatique
14A10	Art33ter : 594451 - 594462 : amplification du gène HER2 dans le cancer du sein métastatique
14A12	Art33ter : 594952 – 594963 + 594974 – 594985 + 594996 – 595000 + 595011 - 595022 : Détection d'une fusion du gène NTRK (ou NTRK1, ou NTRK2, ou NTRK3) d'une tumeur solide avancée
14A13	Art33ter : 595070-595081 : mutation BRAF V600 dans le CBNPC primaire avancé (non résécable ou métastatique)
14A14	Art33ter : 595136-595140 : Détection d'une fusion du gène RET en cas de CBNPC non squameux avancé (non résécable ou métastatique)

14A15	Art33ter : 595151-595162 : Détection d'une mutation RET (probablement) pathogène en cas de carcinome médullaire avancé (non résécable ou métastasé) de la thyroïde
14A16	Art33ter : 595173-595184 : Détection de la fusion ou réarrangement du gène FGFR -2 dans le cholangiocarcinome intrahépatique localement avancé ou métastatique
14A17	Art33ter : 595195 – 595206 : Détection de l'antigène leucocytaire humain (HLA) A*02:01 dans le mélanome uvéal non résécable ou métastatique
14A18	Art33ter : 595232 – 595243 : Détection d'une mutation R132 dans le gène IDH1 dans le cholangiocarcinome intrahépatique localement avancé ou métastatique
14A19	Art33ter : : 595276 – 595280 : Détection d'une mutation HER2 (ERBB2) activatrice dans le CBNPC non squameux avancé
14C1	Art33ter : 594495 - 594506 : gène de fusion BCR/ABL1 dans la LMC
14C2	Art33ter : 594510 - 594521 : mutation KD BCR/ABL1 dans la LMC
14C3	Art33ter : 594532 - 594543 : gène de fusion BCR/ABL1 dans la LLA
14C4	Art33ter : 594554 - 594565 : mutation KD BCR/ABL1 dans la LLA
14C5	Art33ter : 594576 – 594580 : délétion 17p dans la LLC
14C6	Art33ter : 594591 - 594602 : mutation TP53 dans la LLC
14C7	Art33ter : 594613 – 594624 : MYD88 L265P dans la macroglobulinémie de Waldenström (supprimé à partir du 01/08/2019)
14C8	Art33ter : 594635 - 594646 : translocation PML-RARa dans la LAP
14C11	Art33ter : 594694 - 594705 : PDGFRA dans les néoplasmes myéloïdes / lymphatiques avec éosinophilie
14C12	Art33ter : 594716 - 594720 : PDGFRB dans les néoplasmes myéloïdes / lymphatiques avec éosinophilie
14C14	Art33ter : 594834 - 594845 + 595033 – 595044 : mutation FLT3-TKD dans l'AML
14C15	Art33ter : 594856 - 594860 + 595055 – 595066 : mutation FLT3-ITD dans l'AML
14C16	Art33ter : 595033 – 595044 : mutation FLT3-TKD dans AML en rechute ou

	réfractaire
14D1	Art33ter : 594753 – 594764 + 594775 – 594786 + 594790 – 594801 + 594812 – 594823 + 595092-595103 + 595114-595125 : surveillance BCR/ABL1 dans la LMC/LLA
14D2	Art33ter : 594871 – 594882 + 594893 – 594904 + 594915 – 594926 + 594930 – 594941 : surveillance PML-RARa dans la LAP

~~— Pseudocodes pour le dépistage du Covid19 :~~

15A	La détection au moins du virus SARS-CoV-2 au moyen d'une technique d'amplification moléculaire : 554934-554945 (supprimé à partir du 01/10/2024)
15B	La détection d'antigènes du virus SARS-CoV-2 : 554956-554960 (supprimé à partir du 01/10/2024)
15C	Détermination d'anticorps contre le virus SARS-CoV-2 via immunoassay: 554971-554982 (agrément spécifique supprimé à partir du 01/09/2023)

- Pseudocodes convention "Next Generation Sequencing" (NGS)

17A1	NGS pour un carcinome colorectal métastatique : 535010-535021
17A2	NGS pour un carcinome pulmonaire non squameux : 535032-535043
17A3	NGS pour un carcinome pulmonaire squameux : 535054-535065
17A4	NGS pour un cancer des tissus mous, suspicion de GIST : 535113-535124
17A5	NGS pour un mélanome avec métastases à distance ou métastasé aux nodules lymphoïdes stade III : 535135-535146
17A6	NGS pour un médulloblastome/autres tumeurs embryonnaires du système nerveux central : 535172-535183
17A7	NGS pour un gliome diffus, un gliome circonscrit ou un épendymome : 535194-535205
17A8	NGS pour carcinome du sein métastatique : 535231-535242
17A9	NGS pour un carcinome thyroïdien non médullaire : 535253-535264
17A10	NGS pour un carcinome thyroïdien médullaire : 535275-535286
17A11	NGS pour un carcinome du pancréas : 535312-535323
17A12	NGS pour un adénocarcinome pancréatique avancé (code sous embargo) : 535334-535345

17A13	NGS pour un carcinome métastatique de la prostate, résistant à la castration : 535356-535360
17A14	NGS pour un diagnostic de tumeurs spécifiques des tissus mous : 535371-535382
17A15	NGS pour un carcinome de l'endomètre : 535415-535426
17A16	NGS pour une prolifération mélanocytaire atypique (MELTUMP, IAMPUS, STUMP,...) : 535430-535441
17A17	NGS pour un mélanome uvéal : 535474-535485
17A18	NGS pour un carcinome de la glande salivaire : 535496-535500
17A19	NGS pour un carcinome rénal défini moléculairement : 535533-535544
17B1	NGS pour une leucémie aiguë myéloblastique au diagnostic : 535570-535581
17B2	NGS pour une néoplasie myélodysplasique avec une augmentation des blastes 2 (SMD-IB2) : 535636-535640
17B3	NGS pour une néoplasie myélodysplasique, à l'exclusion de SMD-IB2 : 535651-535662
17B4	NGS pour une myélofibrose primaire (préfibrotique) : 535673-535684
17B5	NGS pour une néoplasie myélodysplasique/myéloprolifératif : 535695-535706
17B6	NGS pour une leucémie chronique à neutrophiles : 535710-535721
17B7	NGS pour une thrombocythémie essentielle : 535732-535743
17B8	NGS pour une leucémie chronique à éosinophiles : 535754-535765
17B9	NGS pour une mastocytose systémique : 535776-535780
17B10	NGS pour une leucémie lymphoïde chronique : 535791-535802
17B11	NGS pour une leucémie myélomonocytaire juvénile : 535813-535824
17B12	NGS pour une leucémie/lymphome lymphoblastique-T (LLA-T/LBL-T) : 535835-535846
17B13	NGS pour un lymphome du manteau : 535894-535905
17B14	NGS pour une leucémie-T à grands lymphocytes granuleux (T-LGL) : 535916-535920
17B15	NGS pour un lymphome lymphoplasmocytaire/une macroglobulinémie de Waldenström : 535931-535942
17B16	NGS pour un lymphome T-helper folliculaire : 535953-535964
17C1	NGS pour un carcinome pulmonaire avec progression endéans un an : 535076-535080
17D1	NGS pour une leucémie myéloblastique aiguë en cas de rechute endéans un an : 535592-535603
17E1	RNASeq pour un carcinome pulmonaire sans mutation driver ou d'un patient n'ayant jamais/peu fumé : 535091-535102

17E2	RNA-seq pour un gliome diffus, un gliome circonscrit ou un épendymome : 535216-535220
17E3	RNA-seq pour un carcinome thyroïdien non-médullaire sans mutation driver : 535290-535301
17E4	RNA-seq pour un sarcome : 535393-535404
17E5	RNA-seq pour une prolifération mélanocytaire atypique (MELTUMP, IAMPUS, STUMP,) : 535452-535463
17E6	RNA-seq pour un carcinome de la glande salivaire : 535511-535522
17E7	RNA-seq pour un carcinome rénal défini moléculairement : 535555-535566
17F1	RNAseq pour une leucémie myéloblastique aiguë : 535614-535625
17F2	RNAseq pour une leucémie/lymphome lymphoblastique (LLA/LBL) : 535850-535861
17F3	RNAseq pour une néoplasie myéloblastique/lymphoïde avec éosinophilie et fusion de gène de tyrosine kinase : 535872-535883
17G1	HRD pour un carcinome ovarien épithélial de haut grade non mucineux, un carcinome des trompes de Fallope ou un carcinome péritonéal primaire : 535150-535161

3) Génétique humaine (code de qualification 996):

- Prestations de l'art. 33 de la nomenclature:

Chaque labo de génétique humaine peut attester et facturer toutes les prestations de l'art. 33, mais doit avoir un agrément spécifique pour les prestations de l'art 33bis et 33ter:

11A1	Biologie moléculaire application de l'article 33bis : 588431-588442
11A2	Biologie moléculaire application de l'article 33bis : 588453-588464
11A3	Biologie moléculaire application de l'article 33bis : 588475-588486
11A4	Biologie moléculaire application de l'article 33bis : 588490-588501
11A5	Biologie moléculaire application de l'article 33bis : 588512-588523
11A6	Biologie moléculaire application de l'article 33bis : 588534-588545
11A7	Biologie moléculaire application de l'article 33bis : 589713-589724 (supprimé à partir du 01/7/2019 – AR du 17/05/2019)
11A8	Biologie moléculaire application de l'article 33bis : 589691-589702 (supprimé à partir du 01/11/2016 – AR du 11/09/2016)
11A9	Biologie moléculaire application de l'article 33bis : 588556-588560 (supprimé à partir du 01/7/2019 – AR du 17/05/2019)
11A10	Biologie moléculaire application de l'article 33bis : 588571-588582
11A11	Biologie moléculaire application de l'article 33bis : 588593-588604 (supprimé à partir du 01/07/2019 – AR du 17/05/2019)
11A12	Biologie moléculaire application de l'article 33bis : 588770-588781
11A13	Biologie moléculaire application de l'article 33bis : 588792-588803
11A14	Biologie moléculaire application de l'article 33bis : 588851-588862
11A15	Biologie moléculaire application de l'article 33bis : 588814-588825
11A16	Biologie moléculaire application de l'article 33bis : 588836-588840
11A17	Biologie moléculaire application de l'article 33bis : 587834-587845
11A18	Biologie moléculaire application de l'article 33bis : 587856-587860

11A19	Biologie moléculaire application de l'article 33bis : 587871-587882
11A20	Biologie moléculaire application de l'article 33bis : 587893-587904
11A21	Biologie moléculaire application de l'article 33bis : 565611-565622
11A22	Biologie moléculaire application de l'article 33bis : 589831-589842 (supprimé à partir du 01/07/2019 – AR du 17/05/2019)
11A23	Biologie moléculaire application de l'article 33bis: 555354-555365 : typage HLA candidat receveur d'organe
11A24	Biologie moléculaire application de l'article 33bis: 555413-555424 : typage HLA candidat donneur vivant d'organe
11A25	Biologie moléculaire application de l'article 33bis: 555435-555446 : typage HLA donneur décédé d'organe
11A26	Biologie moléculaire application de l'article 33bis: 587915-587926
11A27	Dépistage d'anomalies acquises chromosomiques ou génétiques (à l'exception du réarrangement des gènes des l'immunoglobulines ou des gènes du récepteur des cellules T), au moyen d'une méthode de biologie moléculaire : 535975-535986
11A28	Dépistage d'anomalies acquises chromosomiques ou génétiques (à l'exclusion de réarrangement des gènes des immunoglobulines ou des gènes du récepteur des cellules T), au moyen d'une méthode de biologie moléculaire : 535990-536001
11A29	Dépistage d'une mutation acquise du KIT D816V au moyen d'une méthode de biologie moléculaire en phase d'investigation diagnostique d'une mastocytose systémique : 536012-536023
11B1	Biologie moléculaire application de l'article 33bis : 587016-587020
11B2	Biologie moléculaire application de l'article 33bis : 587031-587042
11B3	Biologie moléculaire application de l'article 33bis : 587053-587064
11B4	Biologie moléculaire application de l'article 33bis : 587775-587786
11B5	Biologie moléculaire application de l'article 33bis : 587790-587801 (supprimé à partir du 01/03/2023)
11B6	Biologie moléculaire application de l'article 33bis : 587812-587823

11B7	Biologie moléculaire application de l'article 33bis : 587974-587985
------	---

- Prestations de l'art. 33ter de la nomenclature:

14A1	Art33ter : 594252 - 594263 : amplification du gène HER2 dans l'adénocarcinome de l'estomac ou de la jonction OG
14A2	Art33ter : 594274 - 594285 : mutation RAS dans le CCR
14A3	Art33ter : 594311 - 594322 + 595210 – 595221: mutation EGFR dans le CBNPC
14A4	Art33ter : 594333 - 594344 : réaménagement du gène ALK dans le CBNPC
14A5	Art33ter : 594355 - 594366 : réaménagement du gène ROS1 dans le CBNPC
14A6	Art33ter : 594370 - 594381 : mutation EGFR T790M dans le CBNPC
14A7	Art33ter : 594392 - 594403 + 594296 – 594300 : mutation BRAF V600 dans le mélanome (ajout de 594296 – 594300 à partir du 01/08/2019)
14A8	Art33ter : 594414 - 594425 : mutation PDGFRA D842V dans le GIST
14A9	Art33ter : 594436 - 594440 : amplification du gène HER2 dans le cancer du sein non métastatique
14A10	Art33ter : 594451 - 594462 : amplification du gène HER2 dans le cancer du sein métastatique
14A12	Art33ter : 594952 – 594963 + 594974 – 594985 + 594996 – 595000 + 595011 - 595022 : Détection d'une fusion du gène NTRK (ou NTRK1, ou NTRK2, ou NTRK3) d'une tumeur solide avancée
14A13	Art33ter : 595070-595081 : mutation BRAF V600 dans le CBNPC primaire avancé (non résécable ou métastatique)
14A14	Art33ter : 595136-595140 : Détection d'une fusion du gène RET en cas de CBNPC non squameux avancé (non résécable ou métastatique)
14A15	Art33ter : 595151-595162 : Détection d'une mutation RET (probablement) pathogène en cas de carcinome médullaire avancé (non résécable ou métastasé) de la thyroïde
14A16	Art33ter : 595173-595184 : Détection de la fusion ou réarrangement du gène FGFR -2 dans le cholangiocarcinome intra hépatique localement avancé ou métastatique

14A17	Art33ter : 595195 – 595206 : Détection de l'antigène leucocytaire humain (HLA) A*02:01 dans le mélanome uvéal non résécable ou métastatique
14A18	Art33ter : 595232 – 595243 : Détection d'une mutation R132 dans le gène IDH1 dans le cholangiocarcinome intrahépatique localement avancé ou métastatique
14A19	Art33ter : : 595276 – 595280 : Détection d'une mutation HER2 (ERBB2) activatrice dans le CBNPC non squameux avancé
14C1	Art33ter : 594495 - 594506 : gène de fusion BCR/ABL1 dans la LMC
14C2	Art33ter : 594510 - 594521 : mutation KD BCR/ABL1 dans la LMC
14C3	Art33ter : 594532 - 594543 : gène de fusion BCR/ABL1 dans la LLA
14C4	Art33ter : 594554 - 594565 : mutation KD BCR/ABL1 dans la LLA
14C5	Art33ter : 594576 – 594580 : délétion 17p dans la LLC
14C6	Art33ter : 594591 - 594602 : mutation TP53 dans la LLC
14C7	Art33ter : 594613 – 594624 : MYD88 L265P dans la macroglobulinémie de Waldenström (supprimé à partir du 1/8/2019)
14C8	Art33ter : 594635 - 594646 : translocation PML-RARa dans la LAP
14C11	Art33ter : 594694 - 594705 : PDGFRA dans les néoplasmes myéloïdes / lymphatiques avec éosinophilie
14C12	Art33ter : 594716 - 594720 : PDGFRB dans les néoplasmes myéloïdes / lymphatiques avec éosinophilie
14C14	Art33ter : 594834 - 594845 + 595033 – 595044 : mutation FLT3-TKD dans l'AML
14C15	Art33ter : 594856 - 594860 + 595055 – 595066 : mutation FLT3-ITD dans l'AML
14D1	Art33ter : 594753 – 594764 + 594775 – 594786 + 594790 – 594801 + 594812 – 594823 + 595092-595103 + 595114-595125 : surveillance BCR/ABL1 dans la LMC/LLA
14D2	Art33ter : 594871 – 594882 + 594893 – 594904 + 594915 – 594926 + 594930 – 594941 : surveillance PML-RARa dans la LAP

— Pseudocodes pour le dépistage du Covid19 :

15A	La détection au moins du virus SARS-CoV-2 au moyen d'une technique d'amplification moléculaire : 554934-554945 (supprimé à partir du 01/10/2024)
15B	La détection d'antigènes du virus SARS-CoV-2 : 554956-554960 (supprimé à partir du 01/10/2024)
15C	Détermination d'anticorps contre le virus SARS-CoV-2 via immunoassay: 554971-554982 (agrément spécifique supprimé à partir du 01/09/2023)

- Pseudocodes convention "Next Generation Sequencing" (NGS)

17A1	NGS pour un carcinome colorectal métastatique : 535010-535021
17A2	NGS pour un carcinome pulmonaire non squameux : 535032-535043
17A3	NGS pour un carcinome pulmonaire squameux : 535054-535065
17A4	NGS pour un cancer des tissus mous, suspicion de GIST : 535113-535124
17A5	NGS pour un mélanome avec métastases à distance ou métastasé aux nodules lymphoïdes stade III : 535135-535146
17A6	NGS pour un médulloblastome/autres tumeurs embryonnaires du système nerveux central : 535172-535183
17A7	NGS pour un gliome diffus, un gliome circonscrit ou un épendymome : 535194-535205
17A8	NGS pour carcinome du sein métastatique : 535231-535242
17A9	NGS pour un carcinome thyroïdien non médullaire : 535253-535264
17A10	NGS pour un carcinome thyroïdien médullaire : 535275-535286
17A11	NGS pour un carcinome du pancréas : 535312-535323
17A12	NGS pour un adénocarcinome pancréatique avancé (code sous embargo) : 535334-535345
17A13	NGS pour un carcinome métastatique de la prostate, résistant à la castration : 535356-535360
17A14	NGS pour un diagnostic de tumeurs spécifiques des tissus mous : 535371-535382
17A15	NGS pour un carcinome de l'endomètre : 535415-535426
17A16	NGS pour une prolifération mélanocytaire atypique (MELTUMP, IAMPUS, STUMP,...) : 535430-535441
17A17	NGS pour un mélanome uvéal : 535474-535485
17A18	NGS pour un carcinome de la glande salivaire : 535496-535500
17A19	NGS pour un carcinome rénal défini moléculairement : 535533-535544

17B1	NGS pour une leucémie aiguë myéloblastique au diagnostic : 535570-535581
17B2	NGS pour une néoplasie myélodysplasique avec une augmentation des blastes 2 (SMD-IB2) : 535636-535640
17B3	NGS pour une néoplasie myélodysplasique, à l'exclusion de SMD-IB2 : 535651-535662
17B4	NGS pour une myélofibrose primaire (préfibrotique) : 535673-535684
17B5	NGS pour une néoplasie myélodysplasique/myéloprolifératif : 535695-535706
17B6	NGS pour une leucémie chronique à neutrophiles : 535710-535721
17B7	NGS pour une thrombocythémie essentielle : 535732-535743
17B8	NGS pour une leucémie chronique à éosinophiles : 535754-535765
17B9	NGS pour une mastocytose systémique : 535776-535780
17B10	NGS pour une leucémie lymphoïde chronique : 535791-535802
17B11	NGS pour une leucémie myélomonocytaire juvénile : 535813-535824
17B12	NGS pour une leucémie/lymphome lymphoblastique-T (LLA-T/LBL-T) : 535835-535846
17B13	NGS pour un lymphome du manteau : 535894-535905
17B14	NGS pour une leucémie-T à grands lymphocytes granuleux (T-LGL) : 535916-535920
17B15	NGS pour un lymphome lymphoplasmocytaire/une macroglobulinémie de Waldenström : 535931-535942
17B16	NGS pour un lymphome T-helper folliculaire : 535953-535964
17C1	NGS pour un carcinome pulmonaire avec progression endéans un an : 535076-535080
17D1	NGS pour une leucémie myéloblastique aiguë en cas de rechute endéans un an : 535592-535603
17E1	RNASeq pour un carcinome pulmonaire sans mutation driver ou d'un patient n'ayant jamais/peu fumé : 535091-535102
17E2	RNA-seq pour un gliome diffus, un gliome circonscrit ou un épépendymome : 535216-535220
17E3	RNA-seq pour un carcinome thyroïdien non-médullaire sans mutation driver : 535290-535301
17E4	RNA-seq pour un sarcome : 535393-535404
17E5	RNA-seq pour une prolifération mélanocytaire atypique (MELTUMP, IAMPUS, STUMP, ...) : 535452-535463
17E6	RNA-seq pour un carcinome de la glande salivaire : 535511-535522
17E7	RNA-seq pour un carcinome rénal défini moléculairement : 535555-535566
17F1	RNAseq pour une leucémie myéloblastique aiguë : 535614-535625

17F2	RNAseq pour une leucémie/lymphome lymphoblastique (LLA/LBL) : 535850-535861
17F3	RNAseq pour une néoplasie myéloblastique/lymphoïde avec éosinophilie et fusion de gène de tyrosine kinase : 535872-535883
17G1	HRD pour un carcinome ovarien épithélial de haut grade non mucineux, un carcinome des trompes de Fallope ou un carcinome péritonéal primaire : 535150-535161